

## ENQUÊTES FLASH

Les enquêtes Flash ont pour objectif de dresser une cartographie après séquençage de l'ensemble des virus (variants préoccupants connus ou non) qui circulent sur le territoire. Elles sont basées sur un échantillonnage aléatoire de prélèvements ayant un résultat de RT-PCR positif issus des laboratoires participants, indépendamment de tout criblage préalable.  
+ d'info : [www.santepubliquefrance.fr](http://www.santepubliquefrance.fr)

# Résultats consolidés de l'enquête Flash#13 (29 juin 2021)

## Indicateurs clés de la surveillance génomique des virus SARS-CoV-2

### ► Flash #13 (29 juin 2021)

**824** prélèvements provenant de 15 régions / territoires de France métropolitaine et d'Outre-Mer  
(34,9 % des 2 362 cas positifs du jour)

Les variants préoccupants<sup>1</sup> suivants ont été détectés parmi les prélèvements :

#### En France métropolitaine

- 54,0 %** de variants 21A (Delta, B.1.617.2, identifié pour la première fois en Inde) ↗
- 36,6 %** de variants 20I (Alpha, V1, B.1.1.7, identifié pour la première fois au Royaume-Uni) ↗
- 4,2 %** de variants 20H (Beta, V2, B.1.351, identifié pour la première fois en Afrique du Sud) →
- 2,1 %** de variants 20J (Gamma, V3, P.1, identifié pour la première fois au Brésil) ↗
- 0,7 %** de variants 20I/484K (B.1.1.7 + E484K, identifié pour la première fois au Royaume-Uni) ↘

#### Dans les Antilles

- 98,2 %** de variants 20I (Alpha, V1, B.1.1.7, identifié pour la première fois au Royaume-Uni) ↗
- 1,8 %** de variants 21A (Delta, B.1.617.2, identifié pour la première fois en Inde) ↗

En Guyane : aucun prélèvement inclus

#### À La Réunion :

- 98,9 %** de variants 20H (Beta, V2, B.1.351, identifié pour la première fois en Afrique du Sud) ↘
- 1,1 %** de variants 21A (Delta, B.1.617.2, identifié pour la première fois en Inde) ↗

À Mayotte : aucun prélèvement inclus

1. **Variant préoccupant (« variant of concern » ou VOC)** : variant pour lequel il a été démontré en comparant avec un ou plusieurs virus de référence : une augmentation de la transmissibilité ou un impact défavorable sur l'épidémiologie du COVID-19 ; une augmentation de la gravité ou un changement de présentation clinique ; une diminution de l'efficacité des mesures de contrôle mises en place (mesures de prévention, tests diagnostiques, vaccins, molécules thérapeutiques) ou un classement en VOC par l'OMS.

## ► Enquête Flash #13 du 29 juin 2021 (résultats consolidés)

Pour l'enquête Flash #13 et afin de tenir compte de l'évolution de l'épidémie, les LBM participants devaient transmettre 100% des prélèvements positifs du jour de l'enquête. Seuls 34,9% des prélèvements positifs du jour ont été transmis pour séquençage.

Tableau 1. Résultats de séquençage, par région de résidence ou du laboratoire préleveur, Enquête Flash #13, 29 juin 2021, France (n= 824 prélèvements)

	Région de résidence ou du laboratoire préleveur	Prélèvements (N)	Nombre de cas positifs N (%) séquencés	20A				20B		20C/484K		20D		20I (V1, B.1.1.7, Alpha)		20J (V3, P.1/P.1.1/P.1.2, Gamma)		20H (V2, B.1.351/B.1.351.2/B.1.3 51.3, Beta)		21A (B.1.617.2/A Y.1/AY.2, Delta)		21G (Lambda)		Total général (%)
				(B.1.620)	(B.1.1.318)	20C	(B.1)	(C.36.3)																
France métropolitaine	ARA	99	211 (47)	-	-	-	-	-	-	-	48,9	-	-	-	2,1	-	-	48,9	-	-	-	100		
	BFC	23	48 (48)	-	-	-	-	-	-	-	63,2	-	-	-	-	-	-	36,8	-	-	-	100		
	BRE	27	79 (34)	-	-	-	-	-	-	-	48,0	-	4,0	-	-	-	-	48,0	-	-	-	100		
	CVL	15	61 (25)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
	GE	40	89 (45)	-	7,9	-	-	-	-	-	28,9	-	-	13,2	15,8	-	-	34,2	-	-	-	100		
	HDF	19	136 (14)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
	IDF	199	600 (33)	0,6	-	0,6	0,6	0,6	0,6	22,8	1,2	-	6,8	1,2	-	-	64,8	0,6	-	-	-	100		
	NOR	11	91 (12)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
	NA	54	166 (33)	-	-	-	-	-	-	42,9	2,0	-	2,0	-	-	-	49,0	4,1	-	-	-	100		
	OCC	78	183 (43)	-	-	-	-	-	-	49,3	-	-	4,0	2,7	-	-	44,0	-	-	-	-	100		
	PDL	30	70 (43)	-	-	-	-	-	-	25,0	-	-	3,6	3,7	-	-	64,3	-	-	-	-	100		
PACA	57	167 (34)	-	-	2,2	-	-	-	28,3	-	-	-	-	-	-	69,6	-	-	-	-	100			
	<b>Total France métropolitaine</b>	<b>652</b>	<b>1905 (34)</b>	0,4	0,5	0,4	0,2	0,2	36,6	0,7	0,2	4,2	2,1	-	-	54,0	0,5	-	-	-	100			
DROM	GUA	18	21 (86)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-		
	REU	107	209 (51)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	98,9	-	-	1,1	-	-	-	-	100		
	MAR	47	73 (64)	-	-	-	-	-	97,4	-	-	-	-	-	-	2,6	-	-	-	-	-	100		

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

ARA : Auvergne-Rhône-Alpes ; BFC : Bourgogne-Franche-Comté ; BRE : Bretagne ; CVL : Centre-Val de Loire ; COR : Corse ; GE : Grand Est ; GUA : Guadeloupe ; HDF : Hauts-de-France ; IDF : Île-de-France ; REU : La Réunion ; MAR : Martinique ; NOR : Normandie ; NA : Nouvelle-Aquitaine ; OCC : Occitanie ; PDL : Pays de la Loire ; PACA : Provence-Alpes-Côte d'Azur

Les résultats ne sont pas exploitables pour les Hauts-de-France, le Centre-Val de Loire, la Normandie et La Guadeloupe en raison du faible nombre de prélèvements inclus ou positifs dans ces régions. Les résultats par région sont à interpréter avec prudence : à ce jour, tous les départements ne sont pas encore représentés au sein de certaines régions, ce qui peut biaiser les résultats. Les résultats obtenus sont cependant cohérents avec les données de criblage, en particulier en France métropolitaine. Un travail des cellules régionales de Santé publique France avec les ARS vise à renforcer la participation des laboratoires dans tous les départements de France.

Tableau 2. Résultats de séquençage, par classe d'âge, Enquête Flash #13, 29 juin 2021, France (n= 824 prélèvements)

Age	Prélèvements (N)	Nombre de cas positifs N (% séquencés)	20H (V2, B.1.351/ B.1.351.2/ B.1.351.3, Beta)							20I (V1, B.1.1.7, Alpha)			20J (V3, P.1/P.1.1/P.1.2, Gamma)		21A (B.1.617.2/ AY.1/AY.2, Delta)		21G (Lambda)	Total général (%)
			20A (B.1.620)	20B (B.1.1.318)	20C	20C/4 84K (B.1)	20D (C.36.3)	20I/484K (B.1.1.7 + 484K)	20I/484Q (B.1.1.7 + 484Q)	20J	21A	21G						
0-9	27	108 (25)	-	-	-	-	-	-	12,0	36,0	-	-	-	52,0	-	-	100	
10-19	77	304 (25)	-	-	-	-	-	-	6,2	47,7	-	-	3,1	41,5	1,5	-	100	
20-29	194	559 (35)	1,1	-	-	0,6	-	-	2,8	31,8	0,6	-	2,8	60,2	-	-	100	
30-39	119	351 (34)	-	1,9	1,9	-	-	-	6,5	35,2	0,9	-	1,9	50,9	0,9	-	100	
40-49	84	235 (36)	-	1,4	-	-	-	-	4,1	31,1	-	-	1,4	62,2	-	-	100	
50-59	75	167 (45)	-	-	-	-	-	-	1,6	30,6	1,6	-	1,6	64,5	-	-	100	
60-69	26	81 (32)	-	-	-	-	-	-	-	80,0	-	5,0	-	15,0	-	-	100	
70-79	18	50 (36)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
80-89	4	33 (12)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
> 90	3	14 (21)	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	
NR	25	-	-	-	-	-	4,5	4,5	31,8	-	-	-	-	54,5	4,5	-	100	
<b>Total France métropolitaine</b>	<b>652</b>	<b>1905 (34)</b>	<b>0,4</b>	<b>0,5</b>	<b>0,4</b>	<b>0,2</b>	<b>0,2</b>	<b>4,2</b>	<b>36,6</b>	<b>0,7</b>	<b>0,2</b>	<b>2,1</b>	<b>54,0</b>	<b>0,5</b>	<b>-</b>	<b>100</b>		
<b>DROM</b>	0-19	27	93 (29)	-	-	-	-	-	78,3	21,7	-	-	-	-	-	-	100	
	20-39	65	168 (39)	-	-	-	-	-	52,6	45,6	-	-	-	1,8	-	-	100	
	40-59	57	124 (46)	-	-	-	-	-	70,0	28,0	-	-	-	2,0	-	-	100	
	> 60	23	54 (43)	-	-	-	-	-	52,6	47,4	-	-	-	-	-	-	100	

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

NR : non renseigné

Les résultats ne sont pas exploitables pour les personnes de 70 ans et plus en France métropolitaine en raison du faible nombre de prélèvements positifs ou inclus dans ces classes d'âge.

Tableau 3. Évolution de la proportion des variants préoccupants (VOC), des autres variants et des variants porteurs de la mutation E484K/Q, rapportée au nombre de séquences interprétables, enquêtes Flash #3 à #13, France métropolitaine (A), dans les Antilles (B) et à la Réunion (C)

(A)

Variants	Flash #3 (16/02/2021, n=670)	Flash #4 (02/03/2021, n=1 654)	Flash #5 (16/03/2021, n=2 840)	Flash #6 (30/03/2021, n=2 590)	Flash #7 (13/04/2021, n=1 701)	Flash #8 (27/04/2021, n=1 612)	Flash #9 (11/05/2021, n=1 653)	Flash #10 (25/05/2021, n=1 706)	Flash #11 (08/06/2021, n=750)	Flash #12 (22/06/2021, n=593)	Flash #13 (29/06/2021, n=824)
Alpha	45,4	68,5	82,8	80,8	89,0	87,3	87,6	87,6	82,1	52,9	36,6
Beta	4,4	5,5	5,9	7,8	4,3	7,0	6,3	4,3	3,3	4,2	4,2
Gamma	0,7	0,1	0,4	0,4	0,4	0,7	0,4	1,1	0,4	0,5	2,1
20I/484K	-	-	0,1	0,5	0,8	1,1	2,4	1,7	2,5	3,7	0,7
20I/484Q	-	-	-	-	-	-	0,1	0,4	0,1	-	0,2
Delta	-	-	-	-	-	0,1	0,2	0,6	9,1	35,9	54,0
Autres	49,6	25,8	10,8	10,5	5,5	3,9	2,9	4,3	2,5	2,7	2,1
Mutation E484K/Q	5,0	5,6	6,4	10,5	8,4	11,3	11,3	10,7	8,1	9,7	8,3

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

(B)

Variants	Flash #3 (16/02/2021, n=3)	Flash #4 (02/03/2021, n=2)	Flash #5 (16/03/2021, n=2)	Flash #6 (30/03/2021, n=2)	Flash #7 (13/04/2021, n=1)	Flash #8 (27/04/2021, n=3)	Flash #9 (11/05/2021, n=32)	Flash #10 (25/05/2021, n=28)	Flash #11 (08/06/2021, n=3)	Flash #12 (22/06/2021, n=9)	Flash #13 (29/06/2021, n=65)
Alpha	66,7	100,0	100,0	100,0	100,0	100,0	100,0	85,7	100,0	87,5	98,2
Beta	-	-	-	-	-	-	-	3,6	-	-	-
Gamma	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Delta	-	-	-	-	-	-	-	10,7	-	12,5	1,8
Autres	33,3	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

(C)

Variants	Flash #3 (16/02/2021, n=26)	Flash #4 (02/03/2021, n=0)	Flash #5 (16/03/2021, n=18)	Flash #6 (30/03/2021, n=0)	Flash #7 (13/04/2021, n=5)	Flash #8 (27/04/2021, n=16)	Flash #9 (11/05/2021, n=36)	Flash #10 (25/05/2021, n=17)	Flash #11 (08/06/2021, n=55)	Flash #12 (22/06/2021, n=78)	Flash #13 (29/06/2021, n=107)
Alpha	-	-	5,9	-	-	-	2,8	-	2,1	-	-
Beta	61,1	-	88,2	-	100,0	100,0	97,2	100,0	97,9	100,0	98,9
Delta	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1,1
Autres	38,9	-	5,9	-	-	-	-	-	-	-	-

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

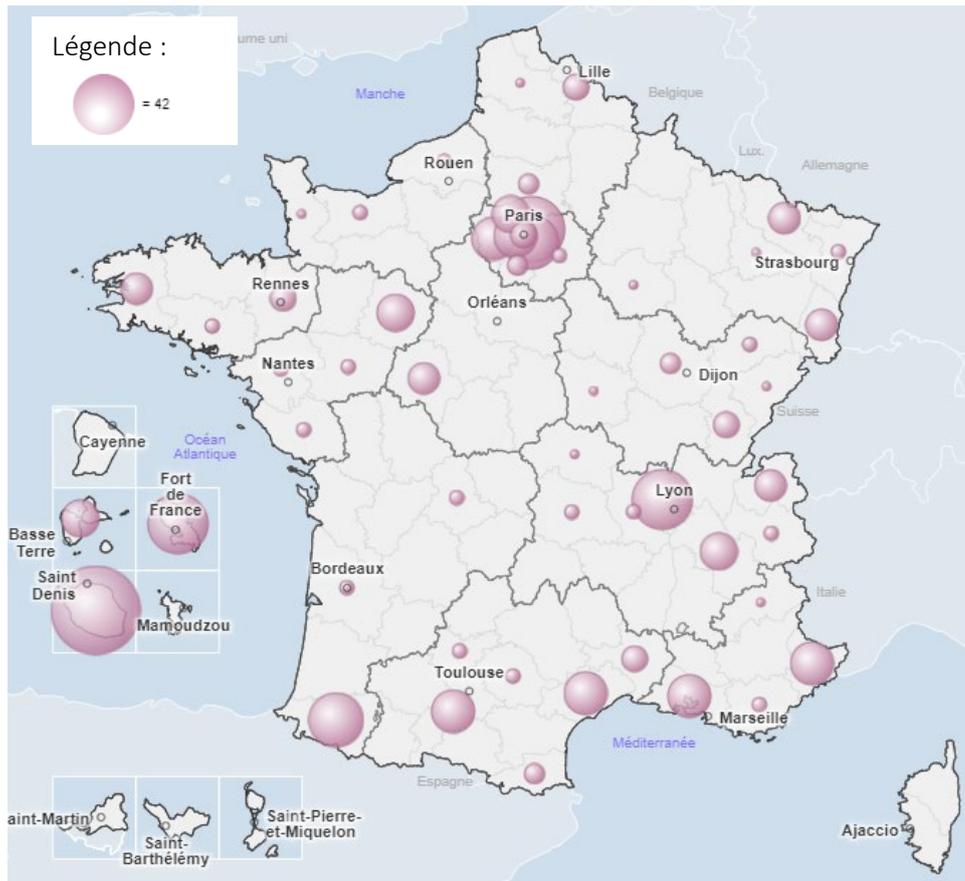
La comparaison des résultats des enquêtes Flash, basées sur un échantillonnage aléatoire des prélèvements, permet de mesurer l'évolution de la part des lignages et variants du SARS-CoV-2 circulant sur le territoire français au cours du temps.

Le **tableau 3A** montre la forte augmentation de la proportion du variant préoccupant Alpha (20I, V1) entre février et mai 2021 en France métropolitaine, qui a diminué fortement au cours des dernières semaines, au profit du variant Delta, qui atteignait, le 29 juin, 54% des séquences interprétables.

Dans les DROM, le variant Beta était prédominant pour la Réunion et Mayotte, alors que dans les Antilles, le variant Alpha était prédominant.

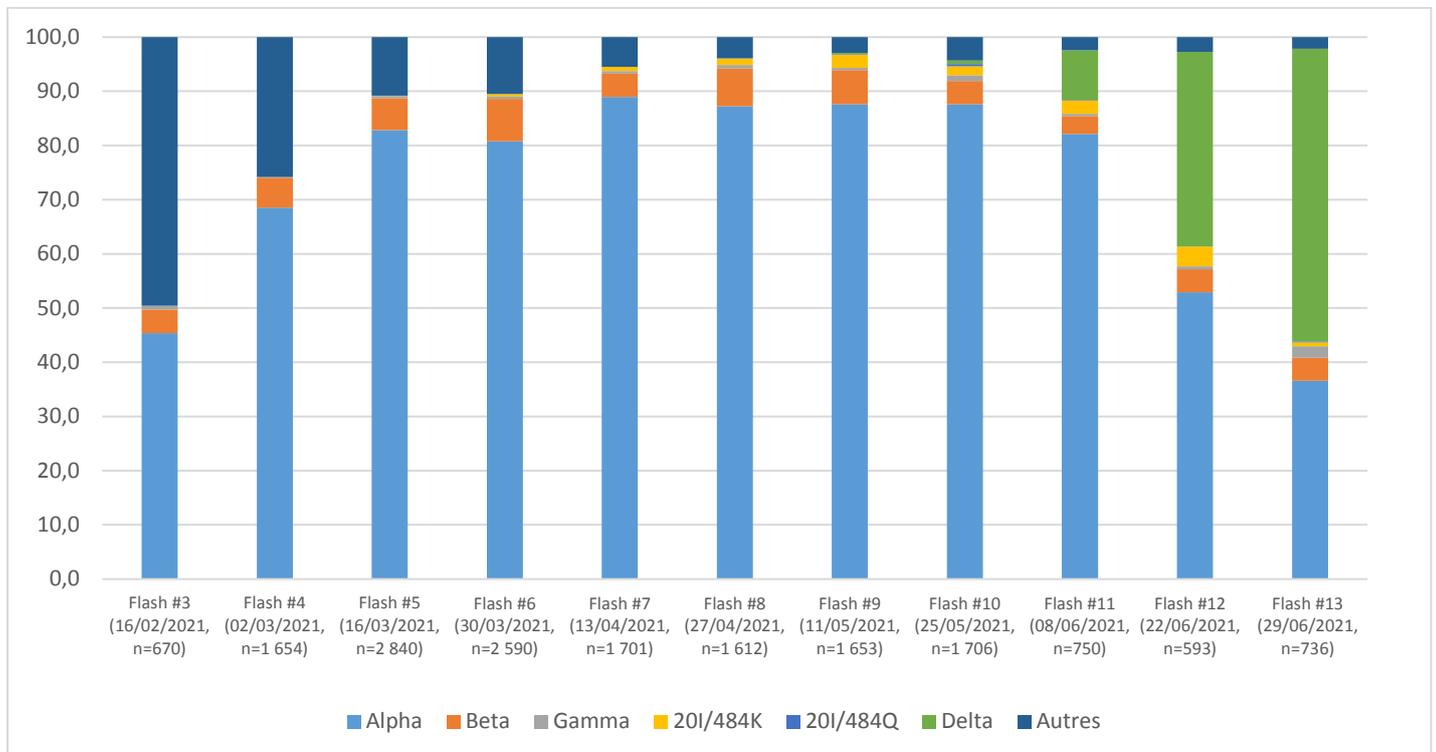
La Guyane et Mayotte ne sont pas représentés du fait du faible nombre de prélèvements reçus dans le cadre des enquêtes Flash (Guyane : n=1 pour Flash #12 ; Mayotte : n=6 pour Flash #10).

Figure 1. Nombre de prélèvements séquencés par département du laboratoire préleveur, enquête Flash #13, 29 juin 2021, France (n= 824 prélèvements)



Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

Figure 2. Évolution des résultats de séquençage par clade, enquêtes Flash #3 à #13, France métropolitaine



Source : Santé publique France, données EMERGEN au 27 juillet 2021

Le faible nombre de prélèvements en provenance des DROM ne permet pas de représenter les données graphiquement.

**Santé publique France remercie l'ensemble des laboratoires de biologie médicale publics et privés qui participent à ces enquêtes, dont la mobilisation forte et rapide a permis d'obtenir ces résultats.**