

Variants d'intérêt : analyse des résultats des tests de criblage saisis dans SI-DEP mise à jour le 19 février 2021

De nombreux variants du SARS-Cov-2 circulent aujourd'hui sur le territoire, dont certains sont qualifiés de « variants d'intérêt » car leur impact (en termes de transmissibilité, de virulence ou d'échappement immunitaire potentiel) justifie la mise en place d'une surveillance et de mesures de gestion spécifiques au niveau national, dans l'objectif de contenir leur progression.

Afin de faciliter ce suivi, l'application SI-DEP a évolué depuis le 25 janvier 2021 et intègre dorénavant les résultats des tests RT-PCR de criblage, qui disposent d'amorces spécifiques permettant la détection des principales mutations qui caractérisent les variants. Ces tests de criblage sont utilisés en seconde intention, après l'utilisation d'un test RT-PCR classique de première intention pour le diagnostic d'une infection à SARS-CoV-2.

L'analyse des premiers résultats permet de suspecter la présence d'un variant 20I/501Y.V1 (Royaume-Uni), celle d'un variant 20H/501Y.V2 (Afrique du Sud) ou 20J/501Y.V3 (Brésil) (sans distinction) ou de conclure à l'absence de variant d'intérêt.

- **Au niveau national**, en semaine 06, sur les 148 880 tests de première intention positifs (test RT-PCR et antigéniques) enregistrés dans SI-DEP, 47% étaient associés à un test de criblage lui aussi enregistré dans SI-DEP (soit 70 498 tests positifs criblés). Parmi ces tests positifs criblés, **37%** (26 063) correspondaient à une suspicion de **variant 20I/501Y.V1** (UK) et **5%** (3 503) à une suspicion de variant **20H/501Y.V2** (ZA) ou **20J/501Y.V3** (BR).

- La proportion de tests positifs criblés variait peu selon la classe d'âge : de 44,8% chez les 20-29 ans à 50,6% chez les 0-9 ans (Tableau 1).

- La plus forte proportion de suspicions de variant 20I/501Y.V1 (UK) était observée chez les 0-9 ans (45,1%) puis chez les 30-39 ans (41,6%). Cette proportion diminuait ensuite avec l'âge pour atteindre 20,6% chez les 90 ans et plus.

- La proportion de suspicions de variant 20H/501Y.V2 (ZA) ou 20J/501Y.V3 (BR) était plus élevée chez les 20-29 ans (5,9%) et les 60-69 ans (5,7%). Cette proportion était plus faible chez les personnes âgées de 70 ans et plus (entre 3,3% et 3,4%).

Tableau 1. Proportion de suspicion de variant d'intérêt parmi les tests de criblage positives 20I/501Y.V1 (UK), 20H/501Y.V2 (ZA) ou 20J/501Y.V3 (BR) en fonction des classes d'âges (données au 18 février 2021)

| Âge | Nb de tests (RT-PCR et TAG) | Nb de tests positifs (RT-PCR et TAG) | PCR de criblage (N) | PCR de criblage (%) | 20I/501Y.V1 (N) | 20I/501Y.V1 (%) | 20J/501Y.V2 ou 20H/501Y.V3 (N) | 20J/501Y.V2 ou 20H/501Y.V3 (%) |
|-------------|-----------------------------|--------------------------------------|---------------------|---------------------|-----------------|-----------------|--------------------------------|--------------------------------|
| 0-9 | 112 779 | 6 329 | 3 205 | 50,6 | 1 447 | 45,1 | 157 | 4,9 |
| 10-19 | 317 896 | 19 187 | 9 378 | 48,9 | 3 832 | 40,9 | 506 | 5,4 |
| 20-29 | 327 987 | 21 795 | 9 769 | 44,8 | 3 742 | 38,3 | 579 | 5,9 |
| 30-39 | 353 768 | 22 379 | 10 229 | 45,7 | 4 255 | 41,6 | 517 | 5,1 |
| 40-49 | 326 423 | 22 131 | 10 523 | 47,5 | 4 187 | 39,8 | 531 | 5,0 |
| 50-59 | 286 686 | 20 008 | 9 720 | 48,6 | 3 633 | 37,4 | 452 | 4,7 |
| 60-69 | 215 963 | 14 697 | 7 243 | 49,3 | 2 420 | 33,4 | 412 | 5,7 |
| 70-79 | 146 395 | 9 532 | 4 378 | 45,9 | 1 205 | 27,5 | 144 | 3,3 |
| 80-89 | 108 622 | 8 172 | 3 816 | 46,7 | 878 | 23,0 | 131 | 3,4 |
| 90 et plus | 62 814 | 4 623 | 2 219 | 48,0 | 458 | 20,6 | 74 | 3,3 |
| Inconnu | 236 | 27 | 18 | 66,7 | 6 | 33,3 | 0 | 0 |
| Tous | 2 259 569 | 148 880 | 70 498 | 47,4 | 26 063 | 37,0 | 3 503 | 5,0 |

Pour chaque classe d'âge de 10 ans, les indicateurs suivants sont présentés, dans l'ordre : nombre total de tests (RT-PCR + tests antigéniques), Nombre de tests positifs ; nombre de PCR de criblage ; % de PCR de criblage rapportée au total des tests positifs ; nombre de suspicions de variant 20I/501Y.V1 (UK) ; % de suspicions de variant 20I/501Y.V1(UK) ; nombre de suspicions de variants 20J/501Y.V2 (ZA) ou 20H/501Y.V3 (BR) ; % de de suspicions de variants 20J/501Y.V2 (ZA) ou 20H/501Y.V3 (BR).

- Ces variants ont été détectés dans toutes les régions métropolitaines, avec des disparités départementales. Sur les 94 départements pour lesquels les données étaient interprétables, 40 départements présentaient une proportion supérieure à 30% de suspicions de variant 20I/501Y.V1 (UK), dont 12 départements avec une proportion supérieure à 50%. Cette proportion était comprise entre 10% et 30% pour 45 départements et inférieure à 10% pour 9 départements.

- Dix départements présentaient une proportion supérieure à 10% de suspicions de variant 20H/501Y.V2 (ZA) ou 20J/501Y.V3 (BR), dont un département – la Moselle – où cette proportion était de 40% (Figures 10 et 11)

Figure 10. Proportion de suspicion de variant d'intérêt 20I/501Y.V1 (UK) parmi les tests de criblage positifs, par département, France (données au 18 février 2021)

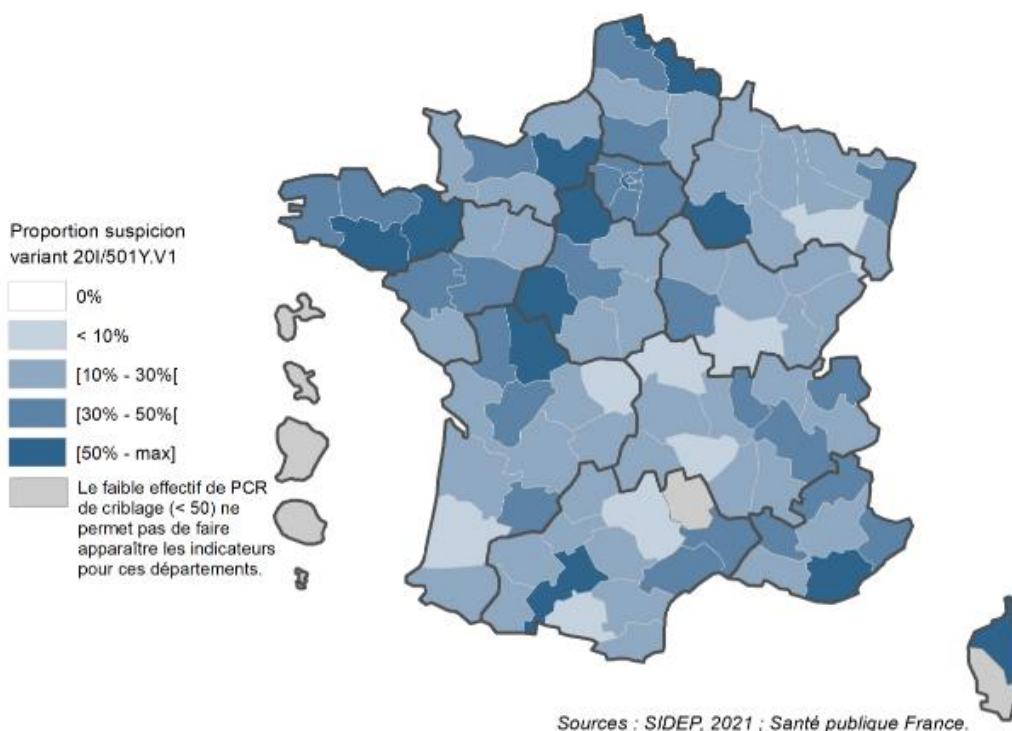


Figure 11. Proportion de suspicion de variant d'intérêt 20H/501Y.V2 (ZA) ou 20J/501Y.V3 (BR) parmi les tests de criblage positifs, par département, France (données au 18 février 2021)

