

ENQUÊTES FLASH

Les enquêtes Flash ont pour objectif de dresser une cartographie après séquençage de l'ensemble des virus (variants préoccupants connus ou non) qui circulent sur le territoire. Elles sont basées sur un échantillonnage aléatoire de prélèvements ayant un résultat de RT-PCR positif issus des laboratoires participants, indépendamment de tout criblage préalable.

+ d'info : www.santepubliquefrance.fr

Résultats consolidés de l'enquête Flash #28 (12 octobre 2021)

Indicateurs clés

► Flash #28 (12 octobre 2021)

1 952 prélèvements provenant de 16 régions / territoires de France métropolitaine et d'outre-mer (36,8 % des 5 305 cas positifs du jour) dont 1 788 avec un résultat interprétable

Les variants préoccupants¹ suivants ont été détectés parmi les prélèvements :

En France métropolitaine :

99,9 % de variants 21A/I/J (Delta, B.1.617.2,AY*, identifié pour la première fois en ^{Stable} ⇌ Inde) et Autres variants non-VOC, dont **<0,1 %** de 20E (B.1.177) et **<0,1 %** de B.1.640.

En Guadeloupe : Effectifs trop réduits pour produire des résultats interprétables.

En Martinique : **100 %** de variants Delta

En Guyane : Pas de participation à l'enquête Flash #28

À La Réunion : Effectifs trop réduits pour produire des résultats interprétables, cependant Delta représente la totalité des 5 prélèvements séquencés avec un résultat interprétable.

À Mayotte : Pas de participation à l'enquête Flash #28

1. **Variante préoccupante** (« variant of concern » ou VOC) : variante pour laquelle il a été démontré en comparant avec un ou plusieurs virus de référence : une augmentation de la transmissibilité ou un impact défavorable sur l'épidémiologie du COVID-19 ; une augmentation de la gravité ou un changement de présentation clinique ; une diminution de l'efficacité des mesures de contrôle mises en place (mesures de prévention, tests diagnostiques, vaccins, molécules thérapeutiques) ou un classement en VOC par l'OMS.

www.santepubliquefrance.fr/dossiers/coronavirus-covid-19/coronavirus-circulation-des-variants-du-sars-cov-2#block-331392

► Enquête Flash #28 du 12 octobre 2021 (résultats consolidés)

Pour l'enquête Flash #28 et afin de tenir compte de l'évolution de l'épidémie, les LBM participants devaient transmettre 100 % des prélèvements positifs du jour de l'enquête. Au total, seuls 32 % des prélèvements positifs du jour ont été transmis pour séquençage.

Tableau 1. Résultats de séquençage, par région de résidence ou du laboratoire préleveur, Enquête Flash #28, 12 octobre 2021, France (n= 1 788 prélèvements ayant un résultat interprétable)

	Région de résidence ou du laboratoire préleveur	Nombre de résultats interprétables (N)	Nombre de cas positifs N (% séquencés)	20E (B.1.177)	B.1.640	Delta 21A/IJ (B.1.617.2, AY*)
France métropolitaine	ARA	274	562 (48,8)	-	-	100,0
	BFC	66	174 (37,9)	-	-	100,0
	BRE	52	195 (26,7)	-	-	100,0
	CVL	44	130 (33,8)	-	-	100,0
	COR	1	44 (2,3)	-	-	-
	GE	130	327 (39,8)	-	-	100,0
	HDF	62	292 (21,2)	-	-	100,0
	IDF	456	1 390 (32,8)	0,2	-	99,8
	NOR	33	139 (23,7)	-	-	100,0
	NA	212	381 (55,6)	-	-	100,0
	OCC	112	395 (28,4)	-	-	100,0
	PDL	104	279 (37,3)	-	-	100,0
	PACA	211	596 (35,4)	-	0,5	99,5
		Total France métropolitaine	1 757	4 904 (35,8)	<0,1	<0,1
DROM	GUA	1	38 (2,6)	-	-	-
	GUY	0	152 (-)	-	-	-
	MAR	20	87 (23,0)	-	-	100,0
	MAY	0	13 (-)	-	-	-
	REU	5	35 (14,3)	-	-	-

Présence du variant parmi les prélèvements (%) 

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 15 novembre 2021

ARA : Auvergne-Rhône-Alpes ; BFC : Bourgogne-Franche-Comté ; BRE : Bretagne ; CVL : Centre-Val de Loire ; COR : Corse ; GE : Grand Est ; GUY : Guyane ; GUA : Guadeloupe ; HDF : Hauts-de-France ; IDF : Île-de-France ; REU : La Réunion ; MAR : Martinique ; MAY : Mayotte ; NOR : Normandie ; NA : Nouvelle-Aquitaine ; OCC : Occitanie ; PDL : Pays de la Loire ; PACA : Provence-Alpes-Côte d'Azur

Les résultats ne sont pas exploitables pour la Corse, la Guadeloupe, la Guyane, Mayotte et la Réunion en raison du nombre faible ou nul de prélèvements inclus ou positifs dans ces régions. Les résultats par région sont à interpréter avec prudence : à ce jour, tous les départements ne sont pas encore représentés de façon équilibrée au sein de certaines régions, ce qui peut biaiser les résultats. Les résultats obtenus sont cependant cohérents avec les données de criblage notamment pour la mutation L452R, en particulier en France métropolitaine. Le travail des cellules régionales de Santé publique France avec les ARS qui vise à renforcer la participation des laboratoires dans tous les départements de France continue. Pour 5 prélèvements (dont 5 ayant un résultat interprétable), l'origine géographique est inconnue et leurs résultats ne sont pas inclus dans ce tableau.

Les résultats sont représentés dans ce tableau lorsque le nombre de prélèvements dont le résultat est interprétable est supérieur à 20.

Tableau 2. Résultats de séquençage, par classe d'âge, Enquête Flash #28, 12 octobre 2021, France (n= 1 788 prélèvements ayant un résultat interprétable)

	Âge	Nombre de résultats interprétables (N)	Nombre de cas positifs N (% séquencés)	20E (B.1.177)	B.1.640	Delta 21A//J (B.1.617.2, AY*)
France métropolitaine	0-9	165	619 (26,7)	-	-	100,0
	10-19	175	567 (30,9)	-	-	100,0
	20-29	186	645 (28,8)	-	-	100,0
	30-39	246	809 (30,4)	-	0,4	99,6
	40-49	246	698 (35,2)	-	-	100,0
	50-59	200	513 (39,0)	-	-	100,0
	60-69	169	455 (37,1)	-	-	100,0
	70-79	179	362 (49,4)	-	-	100,0
	80-89	102	180 (56,7)	1,0	-	99,0
	> 90	32	54 (59,3)	-	-	100,0
	NR	57	-	-	-	100,0
Martinique	0-19	4	21 (19,0)	-	-	-
	20-39	6	21 (28,6)	-	-	-
	40-59	7	20 (35,0)	-	-	-
	>60	3	25 (12,0)	-	-	-

Présence du variant parmi les prélèvements (%) 

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 15 novembre 2021

NR : non renseigné

Les résultats ne sont pas exploitables pour toutes les classes d'âge en Martinique, en raison du nombre faible de prélèvements ayant un résultat interprétable. Pour 5 prélèvements (dont 5 ayant un résultat interprétable), l'origine géographique est inconnue et leurs résultats ne sont pas inclus dans ce tableau. Les résultats sont représentés dans ce tableau lorsque le nombre de prélèvements dont le résultat est interprétable est supérieur à 20.

Tableau 3. Évolution de la proportion des variants préoccupants (VOC) et des autres variants rapportée au nombre de séquences interprétables (n), enquêtes Flash #19 à #28

(A) France métropolitaine

Variants	Flash #19 (10/08/2021, n = 4661)	Flash #20 (17/08/2021, n = 3998)	Flash #21 (24/08/2021, n = 3605)	Flash #22 (31/08/2021, n = 2942)	Flash #23 (07/09/2021, n = 2838)	Flash #24 (14/09/2021, n = 1769)	Flash #25 (21/09/2021, n = 1528)	Flash #26 (28/09/2021, n = 1243)	Flash #27 (05/10/2021, n = 1308)	Flash #28 (12/10/2021, n = 1757)
Alpha	0,7	0,2	0,2	0,2	<0,1	-	-	-	-	-
Beta	<0,1	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Gamma	<0,1	<0,1	<0,1	<0,1	<0,1	-	-	-	-	-
Delta	99,1	99,6	99,8	99,6	99,9	100	99,9	100	99,9	99,9
Autres	0,2	0,1	<0,1	0,2	-	-	<0,1	-	<0,1	0,1

(B) Martinique

Variants	Flash #19 (10/08/2021, n = 50)	Flash #20 (17/08/2021, n = 98)	Flash #21 (24/08/2021, n = 0)	Flash #22 (31/08/2021, n = 58)	Flash #23 (07/09/2021, n = 109)	Flash #24 (14/09/2021, n = 39)	Flash #25 (21/09/2021, n = 28)	Flash #26 (28/09/2021, n = 13)	Flash #27 (05/10/2021, n = 19)	Flash #28 (12/10/2021, n = 20)
Alpha	22	12,2	-	3,4	2,8	2,6	-	-	-	-
Beta	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Gamma	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Delta	78	87,8	-	96,6	97,2	97,4	100	-	-	100
Autres	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

(C) Guadeloupe

Variants	Flash #19 (10/08/2021, n = 28)	Flash #20 (17/08/2021, n = 62)	Flash #21 (24/08/2021, n = 25)	Flash #22 (31/08/2021, n = 49)	Flash #23 (07/09/2021, n = 25)	Flash #24 (14/09/2021, n = 21)	Flash #25 (21/09/2021, n = 18)	Flash #26 (28/09/2021, n = 8)	Flash #27 (05/10/2021, n = 5)	Flash #28 (12/10/2021, n = 1)
Alpha	7,1	3,2	-	-	-	-	-	-	-	-
Beta	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Gamma	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Delta	92,9	96,8	100,0	100	100	100	-	-	-	-
Autres	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

(D) Réunion

Variants	Flash #19 (10/08/2021, n = 181)	Flash #20 (17/08/2021, n = 101)	Flash #21 (24/08/2021, n = 75)	Flash #22 (31/08/2021, n = 81)	Flash #23 (07/09/2021, n = 48)	Flash #24 (14/09/2021, n = 30)	Flash #25 (21/09/2021, n = 24)	Flash #26 (28/09/2021, n = 23)	Flash #27 (05/10/2021, n = 12)	Flash #28 (12/10/2021, n = 5)
Alpha	1,7	2	1,3	2,5	-	-	-	-	-	-
Beta	21	18,8	13,3	9,9	2,1	-	-	-	-	-
Gamma	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Delta	77,3	79,2	85,3	87,7	97,9	100	100	100	-	-
Autres	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

Présence du variant parmi les prélèvements (%)  75-100 % 50-75 % 25-50 % 10-25 % 0-10 %

Source : Santé publique France, données EMERGEN au 15 novembre 2021

La comparaison des résultats des enquêtes Flash, basées sur un échantillonnage aléatoire des prélèvements, permet de mesurer l'évolution de la part des lignages et variants du SARS-CoV-2 circulant sur le territoire français au cours du temps.

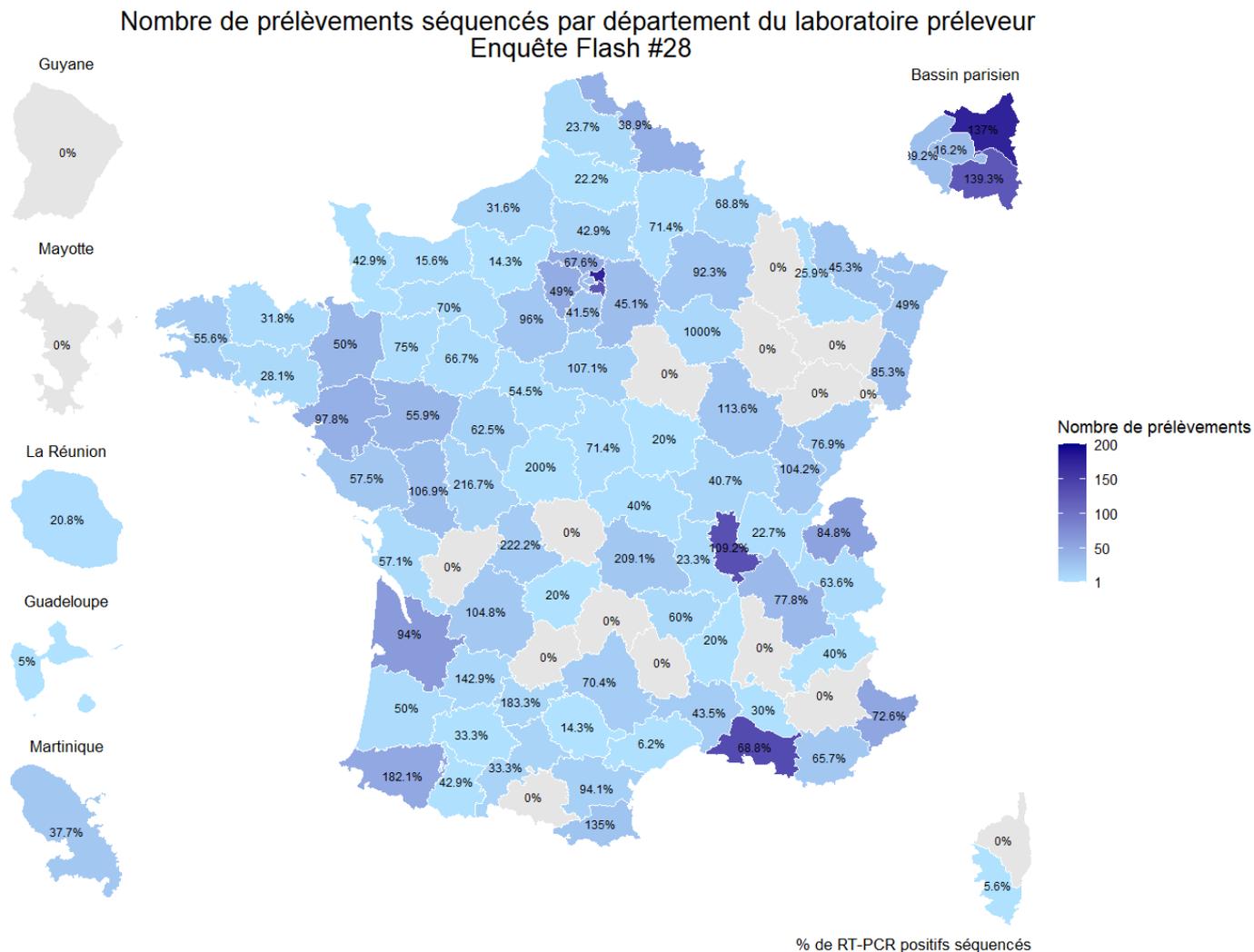
Le tableau 3A montre la prédominance du variant Delta en métropole, qui représentait, le 12 octobre 2021, 99,9 % des séquences interprétables.

Dans les DROM (tableaux 3 B,C,D), les effectifs sont réduits et ne permettent pas une interprétation fiable ; cependant la participation des laboratoires outre-mer est en hausse pour les dernières éditions des enquêtes Flash et il devient possible d'observer une tendance : le variant Delta est désormais prédominant pour la Martinique, la Guadeloupe et la Réunion.

La Guyane et Mayotte ne sont pas représentés du fait du faible nombre de prélèvements reçus dans le cadre des enquêtes Flash (n=0 pour Flash #22, n=34 pour Flash #23, n=10 pour Flash #24, n=0 pour Flash #25, n=0 pour Flash #26, n=0 pour Flash #27 et n=0 pour Flash #28; Mayotte : n=5 pour Flash #22, n=7 pour Flash #23, n=3 pour Flash #24, n=1 pour Flash #25, n=4 pour Flash #26, n=0 pour Flash #27 et n=0 pour Flash #28).

Les résultats sont représentés dans ce tableau lorsque le nombre de prélèvements dont le résultat est interprétable est supérieur à 20.

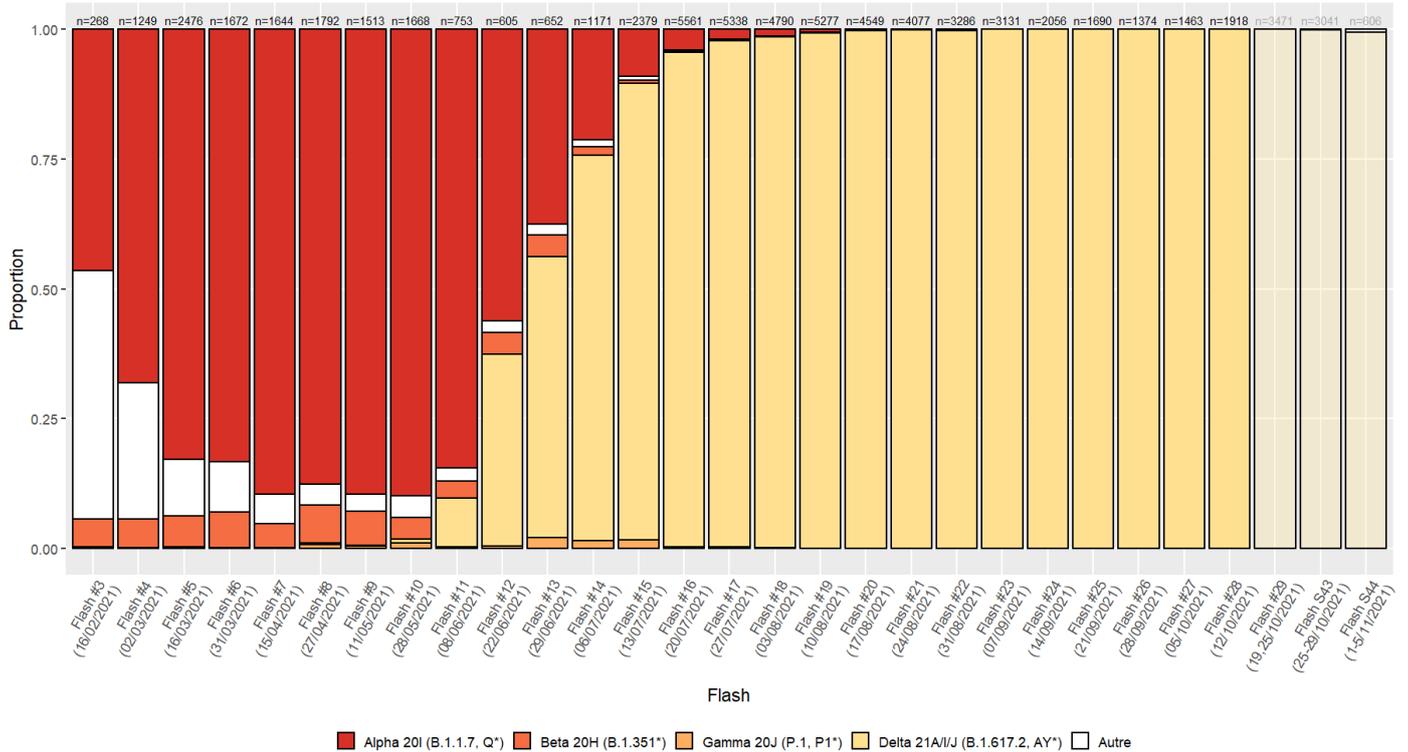
Figure 1. Nombre de prélèvements séquencés et pourcentage des cas positifs séquencés par département du laboratoire préleveur, Enquête Flash #28, 12 octobre 2021, France (n= 1 952 prélèvements)



Source : Santé publique France, données EMERGEN au 15 novembre 2021

Figure 2. Évolution des résultats de séquençage par clade, enquêtes Flash #3 à #S44, France métropolitaine

Le faible nombre de prélèvements en provenance des DROM ne permet pas de représenter les données graphiquement.



* Les résultats des enquêtes Flash #29, Flash #S43 et Flash #S44 ne sont pas consolidés, et sont seulement montrés pour information.
 Source : Santé publique France, données EMERGEN au 15 novembre 2021

Santé publique France remercie l'ensemble des laboratoires de biologie médicale publics et privés qui participent à ces enquêtes, dont la mobilisation forte et rapide a permis d'obtenir ces résultats.